

La caractérisation anthropogénétique de la population de Honâine à travers l'analyse comparative du polymorphisme des groupes sanguins nous a permis de définir les principales caractéristiques expliquant la position de cette population dans le contexte Nord Africain et Méditerranéen.

Les résultats concernant l'exploration des quatre systèmes de groupes sanguins érythrocytaires (ABO, Rh, Fy, MNSs), et la consanguinité montrent en premier lieu une différenciation entre les deux rives de la Méditerranée, et en second lieu, une similitude génétique de notre population avec les populations Nord Africaines en particulier, avec les populations Algériennes et la majorité des populations Marocaines.

La comparaison des populations du pourtour de la Méditerranée révèle une différence apparente entre les deux rives de la Méditerranée qui peut être expliquée par l'existence de barrière géographique qui aurait conduit à une évolution indépendante des populations après leurs implantations.

L'analyse du polymorphisme des groupes sanguins indique que les quatre systèmes (ABO, Rhésus, MNSs et Duffy) sont en équilibre génétique.

La comparaison inter-populationnelle de la distribution des fréquences alléliques et haplotypiques ont permis de mettre en évidence les principales caractéristiques de la population de Honâine, ainsi notre population se caractérise par la fréquence élevée de l'haplotype Rh*cde et de l'allèle Fy*b, et par une faible fréquence de l'haplotype Rh*cDE comparativement aux autres populations Méditerranéennes.

L'analyse de la diversité génétique révèle que les quatre systèmes présentent une diversité intra-région supérieure à la diversité inter-région, ce qui peut être lié aux phénomènes migratoires entre les populations considérées et dont l'impact sera d'autant plus important que la population sera de faible effectif (Chiaroni, 2003).

Les relations inter populationnelles étudiées au moyen de distances génétiques des groupes sanguins montrent les grandes affinités entre la population de Honâine et les populations Nord Africain en général, Berbère en particulier. De plus les arbres phylogénétiques et les analyses en composante principales confirment ce résultat.

L'analyse de la consanguinité montre que ce type de croisement reste une pratique courante dans cette région avec une préférence pour les unions entre cousins du premier degré.

Le taux de consanguinité est de 30.5. Ce taux reste légèrement inférieur par rapport à la moyenne algérienne qui est de 38.5.

En effet il est également important de souligner que l'histoire de quelques gènes ne traduit pas fortement celle d'une population. D'où la nécessité de recouvrir à un grand nombre de gènes variables pour retracer les migrations et mesurer les distances génétiques.

Pour compléter ce travail et dans la perspective pour mieux caractériser notre population nous comptons élargir cette caractérisation par l'application du

polymorphisme étudié sur un grand nombre de populations appartenant aux différents groupes et de confirmer ses résultats par la prospection d'autres marqueurs classiques (protéines sériques, enzymes érythrocytaires) et moléculaires (ADN, chromosome Y, STRs, SNPs,.....).

Pour Conclure, il est important de souligner que la caractérisation Anthro-génétique de notre population par les marqueurs génétiques utilisés dans notre étude, doit être confirmée par d'autres analyses plus approfondies comme marqueurs classiques (protéines sériques, enzymes érythrocytaires) et moléculaires (ADN, chromosome Y, STRs, SNPs,.....). Dans la perspective d'une caractérisation plus précise et reconnue. Qui permettra une meilleure illustration des événements ethno historique propre à la région de Honaine.